



## P-012 - LA EXPRESIÓN DE LOS GENES RELACIONADOS CON EL CARCINOMA HEPATOCELULAR EN PACIENTES OBESOS CON ENFERMEDAD HEPÁTICA GRASA NO ALCOHÓLICA

*Josa Martínez, Benito Miguel; García Galocha, José Luis; Flórez Gamarra, Mariela; Roncero, Cesáreo; Herrera, Blanca; Sánchez, Aránzazu; Sánchez Pernaute, Andrés; Torres, Antonio*

*Hospital Clínico San Carlos, Madrid.*

### Resumen

**Introducción:** La evidencia científica parece señalar a la obesidad como un factor de riesgo para desarrollar cáncer de diferentes tejidos. La manifestación hepática de la obesidad es la enfermedad hepática grasa no alcohólica (NAFLD), y está fuertemente asociada con el desarrollo de carcinoma hepatocelular (HCC); aunque el mecanismo molecular que muestra esta asociación no se conoce completamente.

**Métodos:** Un total de 27 pacientes fueron sometidos a una biopsia hepática, 20 pacientes obesos intervenidos de SADIS y 7 pacientes control; estas biopsias se clasificaron histológicamente en dos grupos, hígado normal y esteatosis leve/moderada. Se aisló ARN total de las biopsias hepáticas y se realizó RT-PCR cuantitativa para analizar los niveles de expresión de diferentes genes. Se cuantificó la cantidad relativa del mRNA diana después de la normalización frente a un gen de referencia (Gusb) en cada muestra.

**Resultados:** Se analizó un panel de 50 genes, de los cuales 16 parecen expresarse diferencialmente entre individuos con histología hepática normal e individuos con esteatosis hepática. Cabe destacar que se observó un aumento significativo en la expresión de genes en pacientes con esteatosis hepática como la AFP, un biomarcador estándar de HCC; así como otros genes fuertemente asociados con el proceso hepatocarcinógeno como el factor de crecimiento transformador (TGF-beta2), factor de crecimiento insulínico (IGF2) y citoqueratina (CK18).

**Conclusiones:** Nuestros datos sugieren que los pacientes obesos mórbidos con una esteatosis hepática leve/moderada ya presentan alteración de varios genes asociados con la hepatocarcinogénesis. Estos datos proporcionan novedosas ideas para descifrar los complejos mecanismos moleculares que relacionan NAFLD y la obesidad.