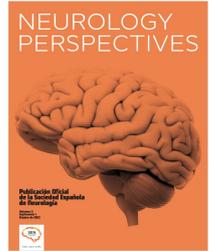




# Neurology perspectives



## 19474 - ANÁLISIS DE MICROARNS COMO BIOMARCADORES EN MIGRAÑA

González Martínez, A.<sup>1</sup>; Planchuelo Gómez, Á.<sup>2</sup>; de la Fuente, H.<sup>3</sup>; Vera, P.<sup>3</sup>; Sierra, Á.<sup>4</sup>; González Osorio, Y.<sup>4</sup>; Guerrero Peral, Á.<sup>4</sup>; Gago Veiga, A.<sup>5</sup>; García Azorín, D.<sup>4</sup>; Vivancos, J.<sup>5</sup>; Sánchez Madrid, F.<sup>6</sup>

<sup>1</sup>Unidad de Cefaleas. Servicio de Neurología. Servicio de Inmunología. Hospital Universitario de la Princesa. Instituto de Investigación Sanitaria Princesa; <sup>2</sup>Imaging Processing Laboratory. Universidad de Valladolid. Cardiff University Brain Research Imaging Centre (CUBRIC); <sup>3</sup>Servicio de Inmunología. Hospital Universitario de la Princesa. Instituto de Investigación Sanitaria Princesa; <sup>4</sup>Unidad de Cefaleas. Servicio de Neurología. Hospital Clínico Universitario de Valladolid; <sup>5</sup>Servicio de Neurología. Hospital Universitario de la Princesa; <sup>6</sup>Servicio de Inmunología. Hospital Universitario de la Princesa.

### Resumen

**Objetivos:** Los microARNs (miARN) regulan la expresión génica a nivel postranscripcional, y están contenidos en exosomas. El objetivo principal del presente estudio es el estudio y caracterización de marcadores epigenéticos específicos de migraña a partir de datos de miARNs.

**Material y métodos:** Estudio observacional de cohorte prospectiva en pacientes con migraña episódica (ME), crónica (MC) y controles sanos. Se realizó una extracción de exosomas séricos, cuantificación de los niveles de expresión de miARN utilizando paneles humanos. Los datos normalizados fueron analizados utilizando una metodología avanzada de análisis de datos y considerando como significación estadística  $p < 0,05$ .

**Resultados:** Se incluyeron 30 participantes mujeres (10 ME, 10 MC y 10 controles) edad media 30 (DE: 8,2) años, tiempo medio con migraña 17 (DE: 8,5) años. Encontramos alteraciones en determinados niveles de miRNAs entre los grupos de pacientes estudiados, y con respecto a controles.

**Conclusión:** Este estudio exploratorio demuestra la presencia de patrones específicos de miRNA en pacientes con migraña, lo que sugiere un potencial biomarcador útil en la identificación de patrones específicos asociados a esta enfermedad.