



Neurology perspectives



18807 - DETECCIÓN DE GRUPOS DE RIESGO DE DETERIORO COGNITIVO POR ANÁLISIS DE CLÚSTERES EN PACIENTES MAYORES COGNITIVAMENTE NORMALES SIN Y CON QUEJAS DE MEMORIA

Villino Rodríguez, R.; Ríos Rivera, M.; Pérez Prol, C.; Espinoza Vincas, C.; Rognoni Trueba, M.; Montoya Murillo, G.; Arrondo Elizaran, C.; Riverol Fernández, M.; Jiménez Huete, A.

Servicio de Neurología. Clínica Universitaria de Navarra.

Resumen

Objetivos: El significado de las quejas de memoria subjetivas es controvertido. La discrepancia entre estudios sugiere que se trata de una población heterogénea. El análisis de clústeres puede ayudar a aclarar estas cuestiones.

Material y métodos: Análisis transversal y longitudinal de dos bases de datos de pacientes mayores con función cognitiva basal normal ($n = 630$ y 734), con y sin quejas de memoria. Se realizaron los siguientes estudios: 1) Análisis de clústeres aplicado a variables neuropsicológicas. 2) Análisis de supervivencia, siendo el evento la progresión a deterioro cognitivo. 3) Promedio bayesiano de modelos para valorar la utilidad predictiva de diversas variables clínicas y paraclínicas.

Resultados: Se identificaron dos clústeres con rendimiento cognitivo superior (1) o inferior (2) a la media. Los pacientes del clúster 2 presentaron un riesgo aumentado de deterioro cognitivo según el test *log-rank* ($p = 0,04$ y $< 0,001$) y los modelos de Cox ($HR = 1,74$; $p = 0,052$ y $HR = 2,97$; $p < 0,001$). Las quejas de memoria aumentaron ligeramente el riesgo de deterioro cognitivo, solo en fases tardías y en el clúster 2. Las variables predictivas más útiles fueron los clústeres, la actividad metabólica por PET-FDG, los volúmenes hipocámpales y los niveles de P-Tau en líquido cefalorraquídeo.

Conclusión: Los pacientes mayores cognitivamente normales incluyen dos clústeres cognitivos. El clúster de menor rendimiento presenta un riesgo aumentado de deterioro cognitivo. Las quejas de memoria tienen un efecto menor y diferido. La capacidad predictiva de los clústeres es comparable a la de otros biomarcadores.