



## 217 - DISBIOSIS Y RELACIÓN DEL GÉNERO BACTEROIDES CON VARIABLES CLÍNICAS EN PACIENTES CON DIABETES MELLITUS DE TIPO 2 (PÓSTER SELECCIONADO)

C. Knott Torcal<sup>1,2,3</sup>, N. Sánchez de la Blanca<sup>1,2</sup>, S. Jiménez Blanco<sup>1,2</sup>, A. Serrano Somavilla<sup>1,2</sup>, R. Martínez Hernández<sup>1,2</sup>, M. Marazuela Azpiroz<sup>1,2</sup> y A. Garcimartin<sup>3</sup>

<sup>1</sup>Endocrinología y Nutrición. Hospital Universitario de la Princesa. Madrid. <sup>2</sup>Fundación de Investigación Biomédica. Hospital Universitario de la Princesa. Madrid. <sup>3</sup>Facultad de Farmacia. Universidad Complutense de Madrid.

### Resumen

**Introducción:** La disbiosis intestinal juega un papel importante en la diabetes *mellitus* tipo 2 (DMT2). Los pacientes diabéticos presentan alterados especialmente los filos *Firmicutes*, *Bacteroidetes* y *Proteobacterias*, aunque hay muchas discrepancias entre estudios. El género *bacteroides* se asocia negativamente con la DMT2 al empeorar el control glucémico.

**Objetivos:** Evaluar el grado de disbiosis de pacientes con DMT2 y estudiar la relación entre la abundancia del género *bacteroides* con variables clínicas y antropométricas.

**Métodos:** Se analizó la microbiota en heces de tres cohortes: pacientes con DMT2 (n = 88), pacientes con sobrepeso (n = 68) y población general sin limitación por IMC (n = 159). La diversidad se midió usando R, y la diversidad Alpha usando el índice de Shannon y Simpson. En el colectivo de DMT2 se realizó analítica y bioimpedanciometría. El análisis estadístico se realizó con R versión 4,0.3.

**Resultados:** Se encontraron diferencias significativas en la riqueza de las tres cohortes analizadas, y en la diversidad solo entre DMT2 y población general y DMT2 y sobrepeso. No se encontraron diferencias significativas en el género *bacteroides*. No obstante, se encontraron correlaciones significativas negativas entre la abundancia del género *bacteroides* con el ángulo de fase (r = -0,273; p = 0,01), y con las enzimas hepáticas GGT (r = -0,342; p = 0,0026) y GPT (r = -0,228; p = 0,0045) en la cohorte de DMT2.

**Conclusiones:** Los pacientes con DMT2 presentan disbiosis con alteraciones en la riqueza y en la diversidad respecto a población general y sobrepeso, sugiriendo que la alteración no va solo unida al sobrepeso. Aunque no hay alteración en los niveles de *bacteroides*, sí aparece una relación con un menor ángulo de fase dentro de la población con T2DM, constituyendo un signo de mal pronóstico. La asociación entre *bacteroides* y el control glucémico es difícil de establecer por el impacto de los tratamientos farmacológicos.