



10 - HUELLA METABÓLICA DE LA ACROMEGALIA Y SU POTENCIAL EMPELO EN LA PRÁCTICA CLÍNICA

B. Biagetti^a, J.R. Herance^b, R. Ferrer^b, A. Aulinas^d, M. Palomino-Schätzlein^e, J.Mesa^a y R. Simó^{a,c}

^aUnidad de Diabetes y Metabolismo. Vall d'Hebron Institut de Recerca. Barcelona. ^bVall d'Hebron Institut de Recerca. Barcelona. ^cCIBERDEM. ^dHospital Universitari de Vic. ^eCentro de Investigación Príncipe Felipe. Madrid.

Resumen

Introducción: La acromegalia deteriora la calidad de vida y aumenta la morbi-mortalidad cardiovascular. Aunque los niveles circulantes de GH e IGF1 son los objetivos de control, estos no se correlacionan de forma estrecha con el comportamiento tumoral, la respuesta a fármacos, las comorbilidades o la calidad de vida de estos pacientes. La metabolómica es una herramienta de investigación que hemos utilizado para examinar de forma no dirigida la huella metabólica tras la exposición crónica a la GH.

Objetivos: Identificar metabolitos y/o vías metabólicas que puedan ser empleados como marcadores de presencia y actividad de la acromegalia.

Métodos: Se comparó la huella metabólica del suero de 30 pacientes con acromegalia (5 activos, 14 en tratamiento médico y 11 en remisión) con 30 controles equiparados por edad, sexo, índice de masa corporal y tabaquismo.

Resultados: Ambas cohortes no tenían diferencias respecto a la presencia de factores de riesgo cardiovasculares clásicos, incluido el HOMA-IR. Los pacientes con acromegalia en comparación con el grupo control presentaron un descenso en los aminoácidos ramificados (BCAA) valina e isoleucina: valina: $4,50 \pm 0,21$ UA frente a $5,26 \pm 0,17$ UA, $p < 0,05$; isoleucina: $2,48 \pm 0,02$ UA frente a $2,80 \pm 0,08$ UA, $p < 0,05$. Asimismo, los BCAA fueron más bajos en aquellos pacientes con enfermedad activa en comparación con los pacientes con IGF-1 sérico normal: valina $4,35 \pm 0,23$ UA frente a $5,01 \pm 0,12$ UA, $p < 0,05$; isoleucina $5,10 \pm 0,32$ frente a $5,62 \pm 0,28$ AU, $p < 0,05$.

Conclusiones: La disminución en los BCAA fueron los principales componentes de la huella metabólica en los pacientes acromegálicos y este descenso fue más pronunciado en la acromegalia activa. Este hallazgo podría ayudar a identificar pacientes con enfermedad activa, monitorizar respuesta a tratamientos y abrir una nueva área de investigación de apoyo nutricional adyuvante en estos pacientes. Sin embargo, se necesitan más estudios para confirmar estos resultados preliminares.