



Gastroenterología y Hepatología



<https://www.elsevier.es/gastroenterologia>

PERFIL DE INMUNIDAD INNATA EN LA MUCOSA "NORMAL" DE PACIENTES CON COLITIS ULCEROSA

L. Ramos¹, M. Carrillo-Palau¹, I. Alonso-Abreu¹, N.N. Hernández-Álvarez¹, G. Hernández Mesa¹, A. Hernández-Camba A¹, L. Martínez-Blanco² y E. Quintero^{1,3}

¹Departamento de Gastroenterología; ²Departamento de Patología, Hospital Universitario de Canarias, Tenerife. ³Universidad de La Laguna.

Resumen

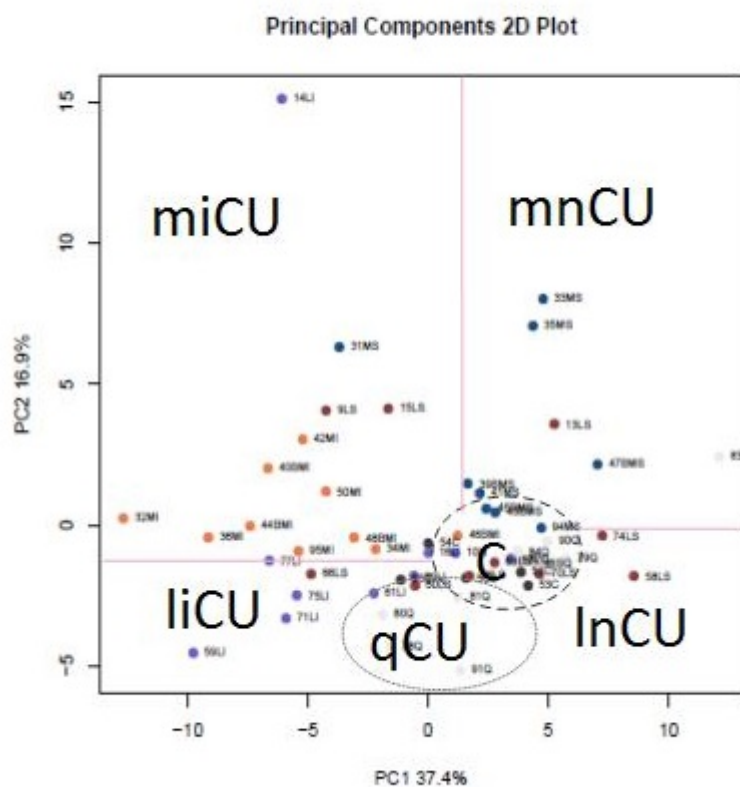
Introducción: La inmunidad innata modula la integridad de la barrera epitelial, la detección microbiana innata y la autofagia en el proceso inflamatorio asociado a la colitis ulcerosa (CU). La CU se asocia con polimorfismos en el gen TLR2 (R753Q) y TLR4 (Asp299Gly), aumentando la expresión de TLR4 y TLR2 en la mucosa y favoreciendo la liberación de citoquinas proinflamatorias y la activación de NFκB. Sin embargo, el papel de la inmunidad innata asociada a la mucosa macroscópicamente normal en la CU no es bien conocido.

Objetivos: Establecer el perfil de expresión génica relacionado con la inmunidad innata de la mucosa macroscópica normal (no inflamada) en pacientes con CU.

Métodos: Se incluyeron pacientes consecutivos de CU que se sometieron a una colonoscopia por práctica clínica habitual en un hospital terciario. Se registró la puntuación total (TMS) y parcial (PMS) según el índice de Mayo en el momento de la colonoscopia. La actividad histológica basada en el sistema de puntuación de Geboes se determinó previamente al estudio de PCR para estratificar las muestras según grado de colitis (colitis inactiva Geboes < 3). Se obtuvieron biopsias de colon de la mucosa inflamada (iCU) y no inflamada (nCU) en pacientes con CU activa, estratificada como colitis leve (lnCU; TMS 1-4/Geboes < 3) y colitis moderada/grave (mnCU TMS 5-12/Geboes < 3); n = 47). Asimismo, se incluyeron pacientes con CU quiescente (qCU; definida como TMS = 0/PMS = 0/Geboes; n = 46) y un grupo control (sin CU) (C; n = 13). La expresión génica de la inmunidad innata se cuantificó utilizando Taqman Human Immune Assay-tarjetas microfluídicas en mucosa colónica, considerando el grado de CU y la localización de las muestras.

Resultados: Las biopsias procedentes de mucosa con colitis quiescente (qCU), así como de las de mucosa no afecta por la inflamación, tanto en pacientes con formas de colitis leve (lnCU) como moderada/grave (mnCU), demostraron una expresión de genes relacionados con la inmunidad innata diferente del grupo de control sin CU (fig.). Se sobreexpresaron 36, 55 y 3 genes y se infraexpresaron 7, 14 y 7 genes infraexpresados en qCU, lnCU y mnCU, respectivamente, en comparación con los controles no IBD (p < 0,05) (tabla).

Fig.1 PCA de los datos normalizados de las muestras.



O-23b.jpg

Conclusiones: La mucosa endoscópicamente normal en pacientes con CU presenta un patrón de inmunidad innata diferente al observado en sujetos sin CU, sugiriendo una predisposición inflamatoria pancolónica que puede condicionar la evolución clínica de esta entidad.